
Мария Никогосян

Образование

Аспирант

Специальность: математическая биология, биоинформатика
Институт: Российско-Армянский университет

Ереван,
Армения

2018 -
настоящее время

Дипломированный специалист

Специальность: биоинформатика, биоинженерия
и молекулярная биология.
Институт: Российско-Армянский университет

Ереван,
Армения

2013-
2018

Опыт работы

Ассистент преподавателя
Российско-Армянский университет

Ереван,
Армения

2020-
настоящее время

Младший научный сотрудник
Группа биоинформатики,
Института молекулярной биологии НАН РА

Ереван,
Армения

2018-
настоящее время

Стажер
Группа биоинформатики,
Института молекулярной биологии НАН РА

Ереван,
Армения

2017-
2018

Научные стипендии и стажировки

DAAD стипендия
Междисциплинарный центр биоинформатики,
Лейпцигский университет

Лейпциг,
Германия

2019
(4 месяца)

oBIG (FFE-034)
Междисциплинарный центр биоинформатики,
Лейпцигский университет

Лейпциг,
Германия

2019
(3 недели)

Программа поддержки аспирантов Enterprise Incubator Foundation (EIF) Стипендия для аспирантов Foundation for Armenian Science and Technology (FAST)	Ереван, Армения Ереван, Армения	2019 (1 год) 2018 (1 год)
oBIG (FFE-034) Междисциплинарный центр биоинформатики, Лейпцигский университет	Лейпциг, Германия	2018 (3 месяца)
Стипендия им. Н. Сисакяна Российско-Армянский университет	Ереван, Армения	2018 (6 месяцев)

Гранты и награды

Исследовательский грант Прогнозирование и оценка риска развития комплексных заболеваний, с использованием методов машинного обучения Программа поддержки аспирантов и молодых ученых Комитет по науке РА(20AA-1F016)	2020
Исследовательский грант Прогнозирование и оценка риска развития различных типов лимфомы, с использованием методов машинного обучения Armenian National Science & Education Fund (ANSEF, compsci-2324)	2020
Лучшая дипломная работа Российско-Армянский университет	2019
Исследовательский грант Изображение патогенома человека с помощью машинного обучения International Science and Technology Center (ISTC)	2018
Исследовательский грант Разработка платформы репозиционирования лекарств на основе биологических путей Российско-Армянский университет	2018
oBIG: Партнерская инициатива в области биоинформатики, системной медицины и здравоохранения Федеральное министерство образования и исследований Германии (FFE-034)	2017

Всеармянский молодежный конкурс "100 идей для Армении"

Навыки

Программирование R, Bash script, python

Языки Армянский (родной), английский (свободно), русский (свободно)

Конференции и воркшопы

Genome Bioinformatics for Health 2019 Устный доклад: Прогнозирование развития комплексных заболеваний в разных популяциях	Ереван, Армения	2019
--	-----------------	------

EMBO Practical Course Population genomics: Background, tools and programming Постер: Прогнозирование развития комплексных заболеваний в разных популяциях	Прочида, Италия	2019
---	-----------------	------

Ежегодная научная конференция РАУ Устный доклад: Прогнозирование развития комплексных заболеваний в разных популяциях, с использованием методов машинного обучения	Ереван, Армения	2018
---	-----------------	------

Global Innovation Forum Foundation for Armenian Science and Technology (FAST)	Ереван, Армения	2018
--	-----------------	------

Genome Bioinformatics for Health 2018 Устный доклад: Анализ генетических факторов риска, связанных с комплексными заболеваниями, в разных популяциях с использованием методов машинного обучения	Лейпциг, Германия	2018
---	-------------------	------

Ежегодная научная конференция РАУ Устный доклад: Биоинформатический анализ генетических факторов риска, ассоциированных с риском развития заболеваний, с использованием методов машинного обучения.	Ереван, Армения	2017
--	-----------------	------

NGS Summer School	Варшава, Польша	2017
-------------------	-----------------	------

Летняя школа по биоинформатике Институт биоинформатики	Москва, Россия	2017
---	----------------	------

Практикум по системной биологии Институт биоинформатики	Санкт-Петербург, Россия	2017
--	-------------------------	------

Ежегодная научная конференция РАУ Устный доклад: Анализ генетических вариантов, ассоциированных с развитием комплексных заболеваний в Армянской популяции	Ереван, Армения	2016
Введение в молекулярную филогенетику	Ереван, Армения	2016
FEBS Advanced Lecture Course Текущие достижения в исследованиях патогенов	Ереван, Армения	2016

Список публикаций

1. Nikoghosyan, M.; Schmidt, M.; Margaryan, K.; Loeffler-Wirth, H.; Arakelyan, A.; Binder, H. SOMmelier—Intuitive Visualization of the Topology of Grapevine Genome Landscapes Using Artificial Neural Networks. *Genes* 2020, 11, 817.
2. M. Nikoghosyan, S. Hakobyan, A. Hovhannisyan, H. Loeffler-Wirth, H. Binder, and A. Arakelyan, "Population levels assessment of the distribution of disease-associated variants with emphasis on Armenians - A machine learning approach," *Front. Genet.*, 2019.
3. Arakelyan, A.; Nersisyan, L.; Nikoghosyan, M.; Hakobyan, S.; Simonyan, A.; Hopp, L.; Loeffler-Wirth, H.; Binder, H. Transcriptome-Guided Drug Repositioning. *Pharmaceutics* 2019, 11, 677.
4. Nersisyan, L., Nikoghosyan, M., Francioli, L.C. et al. WGS-based telomere length analysis in Dutch family trios implicates stronger maternal inheritance and a role for RRM1 gene. *Sci Rep* 9, 18758 (2019). <https://doi.org/10.1038/s41598-019-55109-7>